

150

DETERMINAÇÃO DA SEQÜÊNCIA DO GENE *chit1* QUE CODIFICA QUITINASE NO ENTOMOPATÓGENO *Metarhizium anisopliae*. Cláudia T. Corrêa, Maristela Ocampos, Maurício R. Bogo, Marilene H. Vainstein*, Augusto Schrank. (Depto de Biotecnologia, Centro de Biotecnologia, UFRGS, *Depto de

Biologia Celular, UnB).

A função das quitinases na patogenicidade de fungos entomopatógenos não está completamente elucidada. A proposta deste trabalho é o isolamento e a caracterização de seqüências que codificam quitinase em *M. anisopliae*. Foi construído o mapa de restrição de um clone contendo um fragmento de DNA de 7kb isolado de um banco genômico de *M. anisopliae*. A análise por Southern-blot do DNA genômico indicou a presença de apenas uma cópia do gene *chit1* em *M. anisopliae*. O fragmento de DNA foi subclonado no vetor pUC18 para a caracterização e mapeamento com enzimas de restrição. Outras subclonagens foram realizadas e, a partir destas construções, o seqüenciamento parcial do gene *chit1* foi determinado. A comparação destas seqüências parciais com genes *chit* de outros fungos mostrou similaridade de aproximadamente 70%. A região codificadora é interrompida por três introns pequenos (102, 69 e 82 pb), confirmados pela seqüência de um clone de cDNA. (PADCT, CNPq-RHAE, FAPERGS).