

Identificação dos genótipos do vírus da bronquite infecciosa em órgãos de diferentes sistemas fisiológicos das aves

NAVARINI, I. L.¹, LUNGE, V. R.²

¹ Acadêmica do Curso de Medicina Veterinária da Universidade Luterana do Brasil.

² Professor e Pesquisador do Laboratório de Diagnóstico Molecular da ULBRA



CA – Ciências Agrárias

INTRODUÇÃO

O vírus da bronquite infecciosa (VBI) causa uma doença aguda e altamente contagiosa que provoca perdas econômicas. Este patógeno apresenta uma grande diversidade genética e, no Brasil, existem dois genótipos principais: Massachusetts (Mass) e “variantes brasileiras de campo” (BR). Estes genótipos de VBI podem infectar diferentes células do organismo das aves, apresentando tropismo por determinado órgão e/ou sistema específico.

OBJETIVO

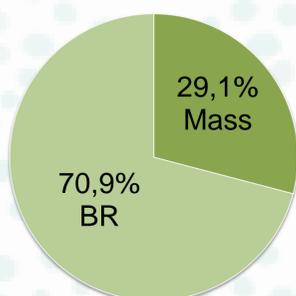
Identificar os genótipos de VBI presentes em lotes de produção avícola (matrizes e frangos de corte) com bronquite infecciosa no Brasil e avaliar os genótipos mais prevalentes nos órgãos de diferentes sistemas fisiológicos.

MATERIAIS E MÉTODOS

Foram coletadas amostras de órgãos de três diferentes sistemas (digestório, respiratório e urogenital) de 79 lotes de aves positivos para o VBI. O RNA foi extraído e amplificado por *RT-nestedPCR*. Os produtos amplificados foram sequenciados e os genótipos identificados.

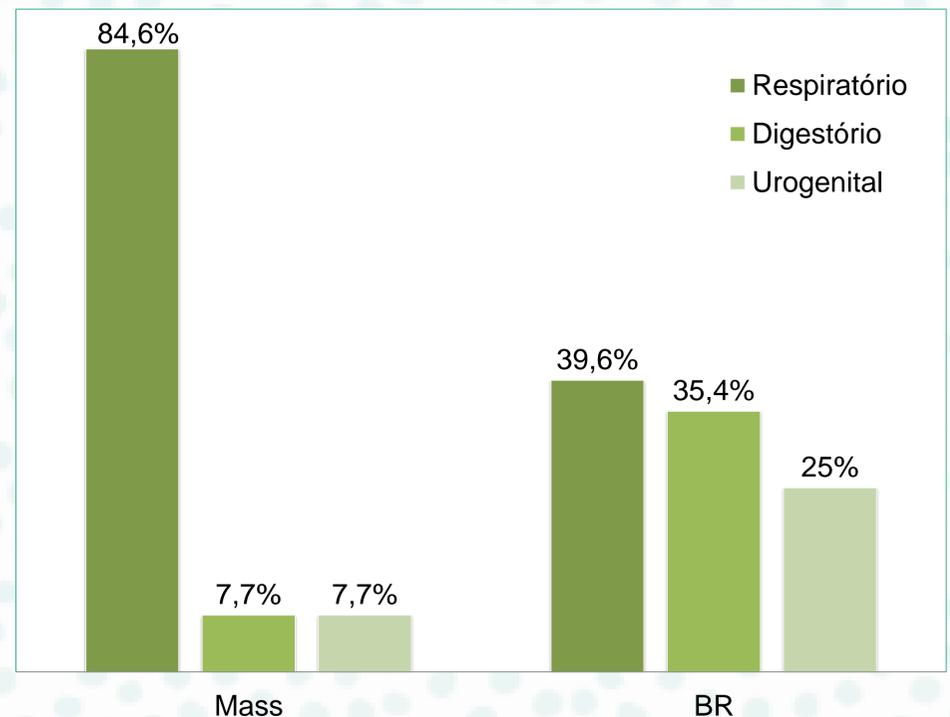
RESULTADOS

Os resultados mostraram que 23 (29,1%) amostras pertenciam ao genótipo Mass e 56 (70,9%) ao genótipo BR. Os genótipos (Mass e BR) foram encontrados nos sistemas fisiológicos estudados de 61 destas amostras. Mass foi significativamente mais encontrado no sistema respiratório (11 amostras - 84,6%) e apenas em 1 amostra de cada um dos outros sistemas (7,7% no digestório e 7,7% no urogenital). BR foi encontrado principalmente em amostras dos sistemas respiratório (19 amostras - 39,6%) e digestório (17 amostras - 35,4%) e em menor frequência em amostras do trato urogenital (12 amostras - 25%).



Genótipos de VBI no Brasil

Genótipos de VBI nos sistemas fisiológicos



CONCLUSÃO

Foi possível observar a disseminação dos genótipos Mass e BR nos lotes de produção avícola do Brasil. Além disso, foi demonstrado que estes genótipos podem ser encontrados nos três sistemas fisiológicos preferenciais de replicação do VBI (respiratório, digestório e urogenital).

REFERÊNCIAS

ABREU, JT, Mourão MM, Santos CE, Veloso CJM, Resende JS, Flatschart RB, Folgueras-Flatschart AV, Júnior SN, Santoro MM, Mendes ACR, Franco GR, Silva A, Campos AB, Fernandez S. Molecular Studies of the Brazilian Infectious Bronchitis Virus Isolates. Workshop: Infectious Bronchitis (IB) in the Brazilian Poultry Industry. Apr - Jun 2010 / v.12 / n.2 / 107 – 110

CHACÓN JL, Rodrigues JN, Assayag Jr MS, Peloso C, Pedrosa AC, Piantino Ferreira AJ. Epidemiological survey and molecular characterization of avian infectious bronchitis virus in Brazil between 2003 and 2009', Avian Pathology, 40 (2):153-162. 2011.

FÁBIO JD, Buitrago LYV. Bronquite infecciosa das galinhas. In: BERCHIERI Jr A, Silva EN, Fábio JD, Sesti L, Zuanaze MAF. Doenças das aves, 2ª edição. p. 631-648. 2009.

FRAGA AP, Balestrin E, Ikuta N, Fonseca ASK, Spilki FR, Canal CW, Lunge VR. Emergence of a new genotype of avian infectious bronchitis virus in Brazil. Avian Diseases, 57:225-232. 2013.