

# Diagnóstico molecular da infecção pelo Vírus da Hepatite C (HCV) em pacientes portadores do Vírus da Imunodeficiência Humana (HIV)

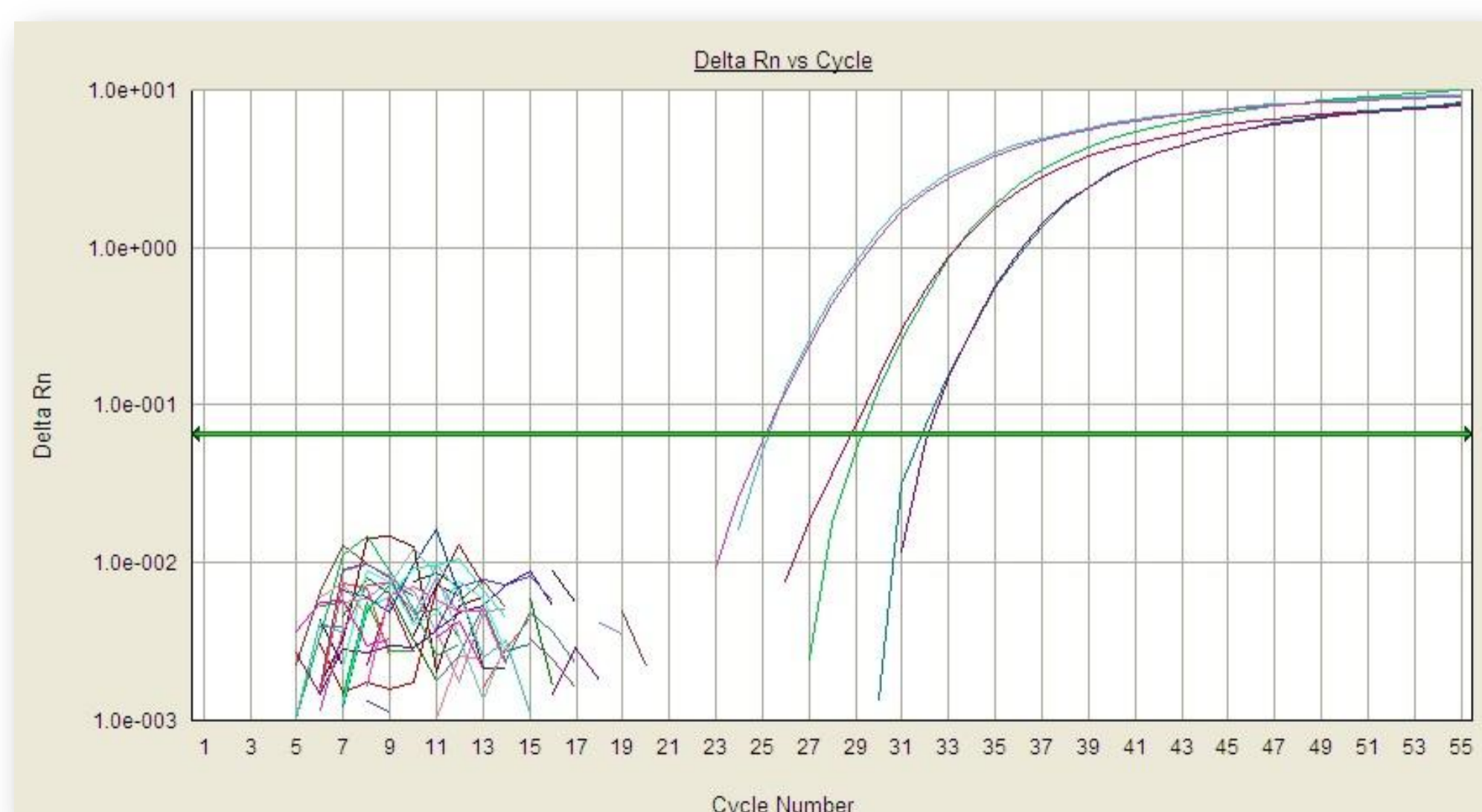
Paula da Rosa Bettim<sup>1,2</sup>, Claudia Maria Dornelles da Silva<sup>2</sup>

1 Centro Universitário Ritter dos Reis

2 Fundação Estadual de Produção e Pesquisa em Saúde

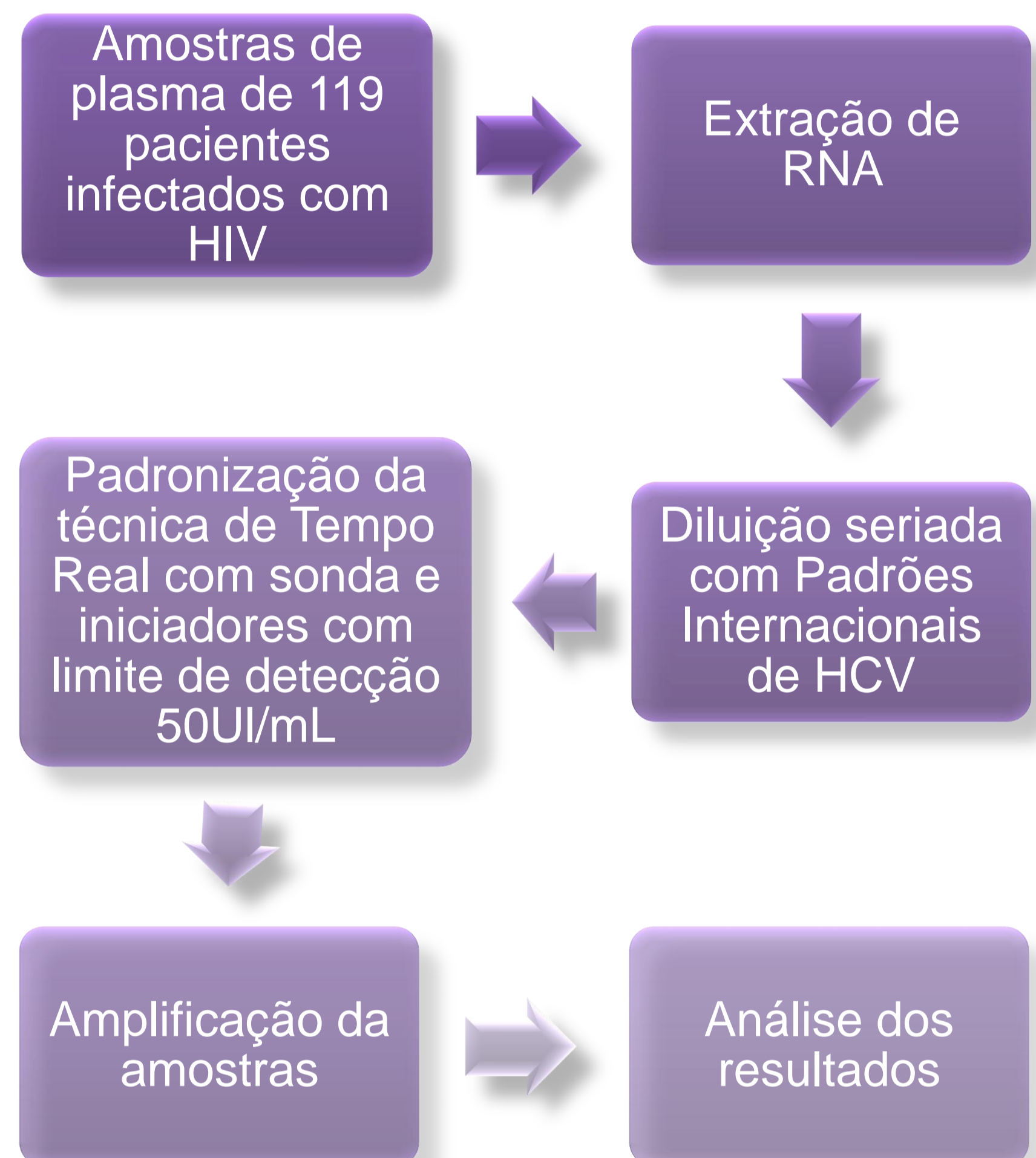
## INTRODUÇÃO

A hepatite C é uma doença infecciosa que se tornou um importante problema de saúde pública no mundo. A hepatite C é uma doença comumente assintomática e apresenta uma elevada taxa de cronicidade, podendo evoluir para cirrose e carcinoma hepatocelular. A co-infecção do vírus da hepatite C (HCV) em pacientes portadores do vírus da imunodeficiência humana (HIV) é frequentemente observada em virtude desses vírus apresentarem rotas de transmissão similares. O diagnóstico laboratorial do HCV envolve uma etapa de triagem sorológica, realizada por ensaios imunoenzimáticos, como o ELISA, e uma etapa confirmatória, através do emprego de métodos moleculares qualitativos para a detecção de RNA viral. Os testes de ELISA são considerados bons métodos de triagem, porém podem apresentar baixa sensibilidade em pacientes com comprometimento imune, pois além de apresentarem soro-conversão tardia, podem apresentar títulos de anti-HCV abaixo dos níveis de detecção, resultando em sorologia falso negativa. Sendo assim, com o objetivo de complementar o diagnóstico sorológico do HCV, o presente estudo teve como objetivo investigar a presença do RNA do HCV em pacientes co-infectados com HIV e negativos para o marcador anti-HCV, utilizando a técnica de RT-PCR em Tempo Real.



**Figura 1:** Resultado de uma amostra positiva no RT-PCR em Tempo Real amplificando no ciclo 29, no ciclo 25 Controle Positivo de Reação e no ciclo 33 Controle Positivo de Extração.

## MATERIAIS E MÉTODOS



## RESULTADOS E DISCUSSÃO

Dos 119 pacientes portadores de HIV e que tiveram resultado negativo para HCV pelo método sorológico ELISA, 3 pacientes (2,52%) revelaram-se positivos para HCV quando se utilizou o método RT-PCR em Tempo Real (Figura 1). A ocorrência destas amostras positivas, entre as amostras anti-HCV negativas, revela a importância do uso do teste molecular como metodologia complementar na triagem para o diagnóstico de hepatite C em pacientes co-infectados com HIV.

## REFERÊNCIAS

EISEN-VANDERVELDE AL, YAO ZQ, HAHN YS. The molecular basis of HCV-mediated immune dysregulation. *Clin Immunol* 2004, 111:16-21.

DREXLER JF, KUPFER B, PETERSEN N, GROTTO RM, RODRIGUES SM, et al. (2009) A novel diagnostic target in the hepatitis C virus genome. *PLoS Med* 6: e1000031.

PAWLITSKY, J.M. Use and interpretation of virological tests for hepatitis C. *Hepatology* 2002, 36:S65-73,.