

253

ESTUDO DO GENE *CYP19* (AROMATASE) EM CAUCASÓIDES E PACIENTES QUE DESENVOLVERAM CÂNCER DE MAMA NA POPULAÇÃO DE PORTO ALEGRE. *Janice C. B. Nunes e Kátia Kvitko*, Departamento de Genética, UFRGS, Porto Alegre - RS

Câncer de mama é uma das causas de morte por câncer mais comum entre as mulheres ocidentais. Espera-se que uma maior exposição a compostos com efeitos estrogênicos aumente o risco de desenvolvimento da doença. O gene *CYP19* (família dos genes de citocromo p450) codifica uma aromatase que catalisa a reação de biossíntese de estrogênios a partir de esteróides C19 e, é expressada na maioria dos carcinomas de mama. Um polimorfismo de repetição de tetranucleotídeos (TTTA) no íntron 5 do gene foi descrito recentemente sendo detectados 5 alelos diferentes contendo 7, 8, 9, 11 e 12 repetições. A presença do alelo maior foi descrito como fator de risco para o desenvolvimento da doença em uma população na Noruega. Este trabalho tem como objetivo: a) estudar a distribuição deste polimorfismo na população caucasóide de Porto Alegre; b) estudar a distribuição alélica deste polimorfismo em pacientes que desenvolveram câncer de mama. Foram analisados, pelo método de PCR, amostras de DNA de 79 caucasóides e de 46 pacientes caucasóides que desenvolveram câncer de mama. Os padrões eletroforéticos foram detectados em gel de poliacrilamida 10,5%, e corados com brometo de etídeo. As frequências alélicas detectadas para a população caucasóide foram: A1=0,02; A2=0,32; A3=0,03; A4=0,11; A5=0,52. As frequências detectadas em pacientes com a doença foram: A1= 0,02; A2= 0,30; A3=0,0; A4=0,16; A5=0,52. Não foi detectada diferença entre as frequências alélicas nos dois grupos. A população caucasóide encontra-se em equilíbrio de Hardy-Weinberg, mas a amostra com câncer de mama apresenta excesso do genótipo 4-4 e diminuição do genótipo 4-5. As frequências detectadas neste trabalho para a amostra caucasóide, não diferem das descritas para a população norueguesa.

ÓRGÃO FINANCIADOR: CNPq, FINEP