

148

DETERMINAÇÃO DO PADRÃO DE RAPD DE ISOLADOS DO FUNGO *Metarhizium anisopliae*. Rafael Guimarães¹, Ana Paula Frazzon², Marilene Vainstein^{2,3}, Augusto Schrank¹ (Departamento de Biologia Molecular e Biotecnologia, IB; 2 Programa de Pós-graduação em Biologia Celular e Molecular, PPGBCM-CBiot; 3 Departamento de Microbiologia, ICBS).

O fungo entomopatogênico *M. anisopliae* é utilizado no controle biológico de insetos praga na agricultura por secretar enzimas, principalmente quitinases e proteases, que degradam a cutícula do hospedeiro, facilitando o processo de infecção. As linhagens deste fungo apresentam diferenças quanto à morfologia da colônia, esporulação e presença e padrão de dsRNA viral, sendo que esta última característica pode interferir no processo de infecção do fungo no inseto. Para melhor estudar estas diferenças, analisamos o polimorfismo de todos os isolados disponíveis no laboratório, por RAPD. Um conjunto de 20 "primers" foi utilizado para a amplificação e os resultados confirmam a existência de uma grande variabilidade genética, como anteriormente descrito, para *M. anisopliae*.(CNPq; PADCT; FAPERGS).

1,2