

199

**ATUCG - AMBIENTE BASEADO EM AGENTES PARA ANOTAÇÃO AUTOMÁTICA DE GENOMAS.** *Carolina Ming Chiao, Ana Lucia Cetertich Bazzan (orient.)* (Departamento de Informática Teórica, Instituto de Informática, UFRGS).

Este trabalho faz parte do projeto ATUCG, que propõe a construção de um ambiente baseado em agentes para auxiliar o processo de anotação e sequenciamento de genomas. Um grande problema que os pesquisadores encontram atualmente é a falta de ferramentas capazes de automatizar as atividades extremamente repetitivas e demoradas de anotação e sequenciamento do organismo alvo de um projeto genoma. Dessa forma, acredita-se que o ambiente ATUCG contribuirá para um menor desperdício de tempo com atividades mecânicas e, por consequência, permitirá que o especialista dedique maior tempo na execução de tarefas que realmente requeiram o seu conhecimento. Dentro desse projeto, o trabalho aqui proposto consiste no desenvolvimento e implementação de uma interface Web, onde atuarão os agentes. O ambiente Web apresenta uma interface em PHP integrada com um banco de dados em PostgreSQL, e é responsável pelo gerenciamento de usuários e projetos cadastrados no sistema ATUCG. O ambiente Web disponibiliza para o pesquisador (usuário) consultas on-line sobre os projetos aos quais ele está vinculado, cadastro de ORFs (Open Reading Frames) relacionadas a um projeto, visualização dos bancos de dados de proteínas que estão sendo usados para a anotação e visualização do andamento da anotação do organismo alvo do projeto. O ambiente possibilita, também, que o pesquisador especifique critérios de consulta no banco de dados proteínas Swiss-Prot, a fim de gerar o conjunto de treinamento que será utilizado como entrada para o algoritmo de aprendizado encapsulado por um dos agentes, responsável pela geração de regras de anotação. (FAPERGS/IC).