

A comercialização da carne de peru têm se destacado nos últimos anos, contribuindo para diversificar a pauta de exportação do agronegócio brasileiro. Fatores como qualidade, sanidade e preço contribuíram para aperfeiçoar a produtividade no setor. O Brasil é o terceiro maior produtor neste ramo, sendo o Rio Grande do Sul um dos cinco maiores exportadores do país. A intensificação da produção contribui para o risco de disseminação das doenças infecciosas, como as que afetam o sistema respiratório de perus. Espécies benéficas que compõem a microbiota normal do trato respiratório destas aves competem com a colonização por patógenos, reduzindo assim, a contaminação dos produtos alimentares avícolas por micro-organismos que afetam o sistema respiratório destes animais. Este estudo tem como objetivo caracterizar a microbiota normal presente em traquéias de perus para reconhecer possíveis micro-organismos benéficos à saúde destas aves. Foram coletadas amostras de traquéia de perus comerciais com 160 dias de idade. As amostras foram cultivadas em caldo BHI, Ágar Sangue e Ágar Mac Conkey, por 24h a 37°C em condições de aerobiose. As colônias foram identificadas presuntivamente pelas características morfológicas macroscópicas e foi realizado o teste de Gram para posterior visualização em microscopia óptica (100X). Foram testadas a produção de catalase e oxidase. Foi feita a avaliação das características bioquímicas de fermentação e oxidação de glicose, pelos meios LIA, TSI, SIM, fenilalanina, vermelho de metila, Vogues Proskauer e citrato. Os micro-organismos Gram-negativos oxidase negativos foram testados pelo Sistema Bactray I e Bactray II (Laborclin®). As colônias tiveram o crescimento avaliado frente aos seguintes carboidratos: ramnose, rafinose, sorbitol, dulcitol, maltose, lactose, manitol, trealose e arabinose. Foram identificadas bactérias das espécies *Staphylococcus spp.*, *Staphylococcus aureus*, *Escherichia coli*, *Yersinia pseudotuberculosis*, *Streptococcus spp.*, *Shigella boydii*, *Shigella dysenteriae* e *Klebsiella ozaenae*. Estudos complementares serão realizados com o objetivo de caracterizar espécies bacterianas presentes no pulmão destas aves.