

140

CARACTERIZAÇÃO MOLECULAR DE DOIS CITÓTIPOS DE PASSIFLORA MISERA (DECALOBA, PASSIFLORA). *Lúcia de Souza Lima Safi, Dânae Longo, Aline P Lorenz-Lemke, Sandro L Bonatto, Francisco Mauro Salzano, Loreta Brandao de Freitas (orient.) (UFRGS).*

Em *Passiflora misera* são conhecidas duas formas cromossômicas: uma diplóide, $2n=12$, e outra hexaplóide, $2n=36$. O objetivo deste projeto é caracterizar a diversidade e variabilidade genética dos dois citótipos. Até o momento, foram analisadas seqüências nucleares (ITS) e plastidiais (*trnH-psbA*) em 35 indivíduos diplóides, 14 hexaplóides e 12 indivíduos de *P. organensis* (grupo externo). O seqüenciamento foi realizado em seqüenciador MegaBace1000, a partir de produtos de PCR específico. As seqüências foram alinhadas com ClustalX 1.81 e GeneDoc e agrupadas pelo método de *neighbor joining* (programa MEGA) e *median joining* (programa NETWORK). Na região ITS2, houve um evento de inserção/deleção (1pb) em 12 dos indivíduos hexaplóides seqüenciados; na região ITS1 foi observada uma inserção/deleção de um par de bases em 34 indivíduos diplóides e um hexaplóide. A comparação dos indivíduos dos dois citótipos foi realizada apenas na porção anterior aos sítios de inserção/deleção. Em ITS1, a região analisada variou de 97 a 140pb, com cinco sítios variáveis. Para ITS2, a região analisada variou entre 148 e 178pb, com seis sítios variáveis. Com relação a este marcador, os indivíduos dos dois citótipos foram separados e a forma hexaplóide agrupou junto com os indivíduos de *P. organensis*. O comprimento da região *trnH-psbA* variou de 306 a 317 pb nos indivíduos de *P. misera*, com 21 sítios variáveis. A análise deste marcador individualmente separou a amostra em três grupos, sem associação geográfica ou citogenética, incluindo indivíduos de *P. organensis* em todos eles. Encontram-se em andamento análises complementares com outros marcadores plastidiais. Associando os resultados aqui apresentados com outros obtidos por nosso grupo, observa-se uma proximidade maior entre os indivíduos hexaplóides de *P. misera* e *P. organensis*, sugerindo pelo menos um evento de alopoliploidia na origem dos indivíduos 6x. (BIC).