

162

PERFIL MOLECULAR DE GENÓTIPOS BRASILEIROS DE MILHO OBTIDOS ATRAVÉS DE MARCADORES SSR. *Camila Martini Zanella, Luana Olinda Tacuatiá, Eliane Kaltchuk-Santos, Fernanda Bered (orient.) (UFRGS).*

A cultura do milho tem relevante importância para a economia brasileira, sendo o Brasil o terceiro maior produtor mundial e o Rio Grande do Sul o segundo estado que mais cultiva milho. O conhecimento da diversidade genética e relacionamento entre o germoplasma de milho utilizado no Brasil é essencial para o planejamento das estratégias de melhoramento genético desta espécie. Os microssatélites (SSR) são marcadores de DNA amplamente distribuídos no genoma e, no caso do milho, com localização conhecida, sendo altamente polimórficos, tendo herança co-dominante e custo relativamente baixo. Este trabalho tem por objetivos a caracterização de diferentes genótipos brasileiros de milho através de marcadores moleculares do tipo SSR e agrupar os genótipos através de métodos aglomerativos, buscando o conhecimento da amplitude da base genética do germoplasma testado. Foram avaliados 23 genótipos brasileiros, um Norte Americano e um chinês de milho, ambos utilizados como controle. A extração de DNA foi realizada segundo Doyle & Doyle (1990) e as amplificações foram feitas seguindo o protocolo de Liu et al (1996). Até o momento, foram analisados doze locos de microssatélites com, pelo menos um loco em cada cromossomo. A avaliação das amplificações foi feita em gel de acrilamida 6% corado com nitrato de prata. A similaridade entre os genótipos foi estimada pelo coeficiente de Jaccard e o agrupamento foi realizado por UPGMA (NT-SYS). Todos os locos avaliados revelaram polimorfismo, com uma média de 4, 5 alelos por loco. A similaridade média entre os genótipos foi de 0, 30. O PIC médio (conteúdo de informação de polimorfismo) dos locos foi de 0, 6538. O dendograma gerado apresentou quatro grupos, sendo que dois deles contém 80% dos genótipos. Serão avaliados ainda outros locos de microssatélites buscando a obtenção de, no mínimo, dois locos para cada cromossomo de milho, objetivando uma melhor cobertura do genoma. (BIC).