

106

**ANÁLISE DE UMA REGIÃO DE DNA DE ARAUCARIA ANGUSTIFOLIA QUE PODE ESTAR ENVOLVIDA COM RESISTÊNCIA AO FRIO.** *Rafael Rodrigues de Oliveira, Rüdiger Hampp, Uwe Nehls, Luciane Maria Pereira Passaglia (orient.)* (UFRGS).

Estudos de diversidade genética populacional indicaram que uma seqüência de 1647 pb, presente no genoma de *Araucaria angustifolia* poderia servir como um marcador molecular que diferenciaria populações localizadas na região sul do Brasil daquelas localizadas na região sudeste. Não foi encontrada homologia significativa entre a seqüência estudada e seqüências já descritas em bancos de dados. Experimentos adicionais de seqüenciamento foram realizados com o objetivo de se identificar regiões reguladoras e estender a região seqüenciada em ambos os sentidos para a parte externa do fragmento estudado, comparando-se seqüências obtidas de diferentes indivíduos das populações. Reações de amplificação em cadeia foram realizadas com os primers 2A e 2B, os quais amplificam uma região de 426 bp do fragmento analisado. Os fragmentos amplificados foram clonados e sequenciados. Utilizando-se uma estratégia de clonagem que utiliza sítios de enzimas de restrição e PCR foram amplificadas regiões genômicas adjacentes à região analisada. Essas regiões foram seqüenciadas e as seqüências de nucleotídeos e aminoácidos obtidas foram comparadas com as seqüências disponíveis nos bancos de dados. Apesar de não estarem relacionados com o fragmento em estudo, entre os clones seqüenciados que mostraram possuir homologia de seqüência em banco de dados, encontraram-se proteínas de retrotransposons e de domínios de bordas de *Arabidopsis thaliana*.