

006

CARACTERIZAÇÃO DE LINHAGENS DE ECHINOCOCCUS GRANULOSUS COLETADOS NO ESTADO DO RIO GRANDE DO SUL UTILIZANDO O MARCADOR MITOCONDRIAL CITOCROMO OXIDASE SUBUNIDADE 1 (CO1). Jeferson Loureiro Badaraco, Arnaldo Zaha,

Karen L. Haag (orient.) (Departamento de Genética, Instituto de Biociências, UFRGS).

Echinococcus granulosus é um platelminto da classe Cestoda que possui um ciclo de vida com dois hospedeiros: na fase adulta infecta um carnívoro e na larval (metacestóide) um herbívoro ou eventualmente o homem. O metacestóide causa a hidatidose, doença que se desenvolve nas vísceras formando cistos preenchidos de líquido, onde ocorre a reprodução assexuada que origina os protoescólices. A prática do homem de alimentar cães com órgãos infectados, torna a hidatidose uma das zoonoses mais disseminadas em todo o mundo. Diferenças na biologia e variantes genéticas do parasita, como capacidade de infectar o homem, levaram a introdução do conceito de linhagens que é, portanto, indispensável para auxiliar no controle da doença. Muitos estudos demonstraram a precisão de marcadores moleculares na determinação de linhagens, principalmente utilizando o gene mitocondrial da Citocromo Oxidase subunidade 1 (CO1). Este trabalho pretende caracterizar as linhagens presentes em 88 amostras de *Echinococcus granulosus* de bovinos provenientes de diversas regiões do estado do Rio Grande do Sul. Até o momento 38 amostras foram seqüenciadas, das quais 24 pertencentes à linhagem de ovinos (G1), 12 à linhagem de bovinos (G5), 1 à linhagem de ovino da Tasmânia (G2) e 1 pertencente a linhagem de camelo (G6) ou de porco (G7). Uma vez que os dados obtidos no presente estudo não estão contemplados na última revisão sobre o “status” da hidatidose no mundo (Thompson, R.C.A. e McManus, D.P. - *Trends in Parasitology*, 18: 452-457, 2002) nossos isolados serão melhor investigados, utilizando-se também outros marcadores para confirmar os resultados. Apoio: PROBIC – UFRGS, CABBIO e FAPERGS.