

O gênero *Acinetobacter* tem emergido como um importante patógeno nosocomial que apresenta, não apenas resistência intrínseca a muitos antimicrobianos, como também uma grande habilidade de adquirir novos mecanismos de resistência. Surto causado pela disseminação de clones de *Acinetobacter* spp. multirresistentes e carreadores de genes de resistência têm sido registrado em hospitais de várias partes do mundo e têm causado grande preocupação. O estudo epidemiológico destes surtos é de grande importância para detectar as fontes de disseminação destes microorganismos e com isso tentar diminuir o número de infecções. Este trabalho teve como objetivo avaliar a disseminação clonal de isolados de *Acinetobacter* spp. multirresistentes e carreadores do gene *bla*_{OXA-23} entre hospitais de Porto Alegre, e para o meio ambiente através do efluente hospitalar. Ao todo 125 isolados clínicos coletados nos anos de 2006 e 2007 em cinco hospitais de Porto Alegre, e seis isolados de efluente hospitalar, foram analisados através das técnicas de amplificação de seqüências repetitivas do genoma (ERIC-PCR) e análise de macrorestrição do genoma (PFGE). Foi encontrado um clone predominante disseminado em quatro dos cinco hospitais analisados e que se manteve no ambiente hospitalar nos período de coleta deste estudo em dois anos consecutivos. Este estudo demonstra o potencial epidêmico do gênero *Acinetobacter* e também a capacidade de uma cepa clone se manter no ambiente hospitalar por mais de um ano. Também pode se verificar a relação genética dos isolados encontrados no efluente com os isolados clínicos, indicando que o efluente destes hospitais está participando na disseminação destes microorganismos multirresistentes e carreadores de genes de resistência para o meio ambiente.