

Rhipicephalus (Boophilus) microplus é um carrapato bovino que causa grandes perdas na produção animal em áreas tropicais e subtropicais. Como todo parasita hematófago, dribla as respostas hemostáticas, imunes e inflamatórias do hospedeiro. O estudo da glândula salivar é essencial para melhor entendimento seu papel no repasto sanguíneo e propor moléculas com possível atividade farmacológica ou antigênica. Este trabalho aplica uma abordagem proteômica comparativa para identificar as proteínas de glândulas salivares de fêmeas de *R. microplus* parcialmente e totalmente ingurgitadas. As glândulas salivares foram dissecadas em PBS a 4 °C, e tiveram seu conteúdo protéico extraído em Tris 40 mM pH 8,0. Esta solução foi dessalinizada e concentrada com ReadyPrep 2D cleanup Kit (Bio-Rad). Ambas as amostras foram separadas por eletroforese em gel 1-D. Os géis foram cortados em pedaços de 0,5 cm e digeridos com tripsina. Os peptídeos gerados foram analisados por LC-MS-MS. Além disso, as amostras foram separadas por eletroforese em gel 2-D (primeira dimensão: tiras IPG de 7 cm com faixa linear de pH 3-10, segunda dimensão: géis SDS-PAGE 12%). Os géis 2-D foram analisados utilizando o PDQuest 2D software (Bio-Rad). Na análise LC-MS-MS das proteínas separadas por eletroforese 1-D identificou-se várias proteínas com diferentes funções moleculares, como calreticulina, Hsp90, glutathione S-transferase, isomerase triosefosfato, paramiosina, Na⁺/K⁺-ATPase, além de outras. Na análise da eletroforese em gel 2-D foram identificadas diferenças entre o número de spots protéicos nas glândulas salivares de fêmeas total e parcialmente ingurgitadas: 121 nas primeiras e 152 nas últimas. O próximo passo deste trabalho é identificar essas proteínas por análise LC-MS-MS.