

078

**AMPLIFICAÇÃO DE UM FRAGMENTO DO GENOMA DE ISOLADOS DO VÍRUS DA LARINGOTRAQUEÍTE INFECCIOSA AVIÁRIA.** *Alfredo Bianco Junior, Claudio Wageck Canal (orient.) (UFRGS).*

A importância econômica e social da avicultura brasileira coloca o setor em evidência internacional. Doenças respiratórias compreendem o principal problema sanitário, levando à condenação um grande número de carcaças. A Laringotraqueíte Infecciosa Aviária (LTI) é uma doença respiratória causada por um alfa herpesvírus que tem adquirido grande importância nos últimos anos devido a surtos da doença clínica. Recentemente, nosso grupo de pesquisa descreveu o isolamento do vírus da LTI (VLTI) de aves com e sem sinais clínicos, provenientes de plantéis comerciais do Brasil. Este trabalho objetivou amplificar um fragmento do genoma para posterior caracterização destes isolados brasileiros através do seqüenciamento de nucleotídeos. Para isso, os isolados foram replicados em cultivo celular. O DNA foi extraído do cultivo infectado pelo método do fenol/clorofórmio. Para a amplificação, foram sintetizados iniciadores que flanqueiam a região 5' da gE viral e a padronização da Reação em Cadeia da Polimerase (PCR) foi realizada utilizando uma cepa vacinal. Foram gerados os fragmentos de 1151pb de alguns isolados que foram extraídos e purificados de um gel de agarose através do kit GFX (Amersham®). Os produtos da amplificação serão seqüenciados e serão analisados com o uso do programa ClustalX. Os dados obtidos permitirão conhecer melhor a diversidade genética deste vírus e sua epidemiologia, além de servir de base para um trabalho que visa deletar o gene da gE para gerar um vírus atenuado que possa ser utilizado como uma vacina de vírus vivo recombinante. (Fapergs).