

DETECÇÃO DO GENE *invA* EM AMOSTRAS DE SALMONELLA HADAR, ISOLADAS DE MECÔNIO, CARÇAÇAS E CORTES DE FRANGO, NO RIO GRANDE DO SUL. *João Pereira Guahyba Bisneto, Marco Aurélio de Oliveira Cesco, Éverton Eilert Rodrigues, Anderlise Borsoi, Carlos Tadeu Pippi Salle, Vladimir Pinheiro do Nascimento (orient.) (UFRGS).*

A salmonelose é uma das zoonoses mais importantes do mundo por sua implicação em saúde pública e também por resultar em perdas econômicas na produção animal. Dentro do gênero *Salmonella*, que é constituído por mais de 2.500 sorovares, o sorovar Hadar tem merecido atenção, pois foi o terceiro mais isolado no mundo em 1995 (HERIKSTAD et al., 2002) e o terceiro mais isolado em humanos entre 1997 e 2001 na Espanha (ECHEITA et al., 2005). Em 2005, naquele país, mais de 200 casos de salmonelose em humanos foram provocados pelo sorovar Hadar, transmitido pelo consumo de carne de frango (EUROSURVEILLANCE, 2005). No Rio Grande do Sul, Nascimento et al. (1996) relatam a prevalência de *Salmonella* em carcaças e partes de frango, sendo a *Salmonella* Hadar a segunda mais isolada (26%). Neste trabalho, foram analisadas para a detecção do gene *invA* 45 amostras de *Salmonella* Hadar isoladas a partir de mecônio, carcaças e cortes de frango no RS, no Centro de Diagnóstico e Pesquisa em Patologia Aviária através da PCR. Os primers utilizados para amplificação do DNA foram sintetizados com base nas seqüências 5' GTG AAA TTA TCG CCA CGT TCG GGC AA 3' e 5' TCA TCG CAC CGT CAA AGG AAC C 3', proposta por Rahn et al. (1992) para amplificar um fragmento de 284 pb do gene *invA* de *Salmonella*, sendo este proposto como um padrão internacional para a detecção de *Salmonella* (MALORNY et al., 2003). A PCR foi capaz de detectar o gene *invA* em todas as amostras de *Salmonella* Hadar, produzindo um fragmento de 284 pb, sendo os produtos da amplificação submetidos a gel de agarose a 1, 2% corados com Brometo de Etídio e visualizados sob luz ultravioleta. Como resultado foi possível demonstrar a presença do gene *invA* nas amostras de *S. Hadar* isoladas no RS (CNPq).