

026

CARACTERIZAÇÃO DE 180 LINHAS ENDOGÂMICAS RECOMBINANTES DO GÊNERO LOTUS EM RESPOSTA A PRESENÇA DE ALUMÍNIO EM SOLUÇÃO NUTRITIVA. *Katia Graziela Costa Huber, Armando Martins dos Santos, Aline Janke, Marcos Laux de Leão, Luciana Carvalho dos Santos, Carlos Alberto Bissani, Miguel Dall Agnol (orient.) (UFRGS).*

A toxidez por alumínio (Al) é comum em áreas de pastagens na região do Cone Sul. A utilização de forrageiras mais adaptadas a esta situação minimiza o uso de corretivos de acidez e ainda possibilita um aporte de nitrogênio ao sistema via fixação biológica, no caso da utilização de leguminosas. A caracterização da tolerância é o passo inicial em um programa de seleção e melhoramento que vise à obtenção de genótipos mais adaptados ao Al tóxico. Este trabalho objetivou caracterizar em solução nutritiva, 180 linhas endogâmicas recombinantes (LER) diplóides do gênero Lotus (com seus respectivos parentais) quanto à tolerância ao Al tóxico. Seis experimentos foram necessários para o teste de todos os genótipos disponíveis. As soluções utilizadas foram baseadas em Wenzl et al. (2001), cuja composição foi: 200 $\mu\text{mol L}^{-1}$ de Ca (CaCl_2) e quatro níveis de Al^{+3} (0, 25, 50 e 100 $\mu\text{mol L}^{-1}$). O comprimento radicular foi avaliado após 20 dias de crescimento. Nos dois primeiros experimentos (parental L. japonicus), dos 63 LERs testados, nove apresentaram comprimento radicular superior e onze foram inferiores ($p < 0,10$) aos genótipos GIFU e MG-20. O terceiro, quarto e quinto experimentos (parentais L. japonicus x L. burtii), dos 87 LERs avaliados, onze foram superiores e 23 inferiores ($p < 0,10$) aos parentais acima citados. Já no sexto experimento (parentais L. filicaulis x L. japonicus), dos 30 LERs utilizados, seis foram superiores e cinco inferiores ($p < 0,10$) em relação aos seus parentais. A grande diversidade observada entre os LERs (materiais diplóides) deverá auxiliar na futura seleção dos genótipos cultivados (tetraplóides), uma vez que os LERs possuem um genoma menor com um mapa genético bem desenvolvido. (Bolsista CNPq). (PIBITI).