

Conectando vidas Construindo conhecimento



XXXIII SIC SALÃO INICIAÇÃO CIENTÍFICA

Evento	Salão UFRGS 2021: SIC - XXXIII SALÃO DE INICIAÇÃO
	CIENTÍFICA DA UFRGS
Ano	2021
Local	Virtual
Título	Docking e simulação das interações entre proteínas
	relevantes do Coronavírus e seu receptor humano
Autor	EDUARDO RAMIRES KUHN
Orientador	PAULO AUGUSTO NETZ

Docking e simulação das interações entre proteínas relevantes do Coronavírus e seu receptor humano.

Autor: Eduardo Ramires Kuhn

Orientador: Prof. Dr. Paulo Augusto Netz

Instituição: Universidade Federal do Rio Grande do Sul

O Coronavírus SARS-CoV-2 se tornou a maior preocupação da saúde pública, sendo o agente que provoca a pandemia CoViD-19. A transmissão desse vírus para o organismo humano ocorre através de uma interação inicial com a enzima ACE2 (Enzima Conversora da Angiotensina 2) com SARS-CoV-2, onde se envolvem as proteínas Spike (proteína S do vírus), TMPRSS2 e as Catepsinas L e B (CatL e B) sendo essas possíveis alvos para a inibição visando frear o contagio. Os flavonoides constituem um grande grupo de metabólitos secundários tendo uma ampla gama de propriedades biológicas/farmacológicas, dentre eles a pelargonidina (PEL) e a peonidina (PEO) foram selecionados como ligantes promissores para investigar sua potencial inibição destas proteínas. O objetivo do projeto é, através de métodos computacionais, Docagem Molecular e Dinâmica Molecular, estudar estes sistemas Proteína-Ligante. A metodologia baseia-se em primeiramente através da docagem molecular determinar o melhor complexo obtido, a partir desse gerar a topologia (AMBER03), seguido de minimizações e simulações preparatórias para, depois, realizar as dinâmicas de 200 ns para cada sistema. As análises (RMSD, ligações de hidrogênio, distância mínima entre proteína e ligante e entre seus centros de massa e avaliação visual da trajetória) nos permitem concluir que a PEL se manteve até o final na mesma região da CatB, indicando forte interação, mas migrações foram constatadas para Spike-PEL e PEO, TMPRSS2-PEO, CatL-PEL e CatB-PEO enquanto que para TMPRSS2-PEL e CatL-PEO o ligante passa a interagir com outra região onde se mantém até o fim.