



Evento	Salão UFRGS 2020: SIC - XXXII SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS
Ano	2020
Local	Virtual
Título	Polimorfismo no gene codificador do fator inibidor da migração de macrófagos e sua associação com tuberculose
Autor	ALANA AMBOS FREITAS
Orientador	DENISE ROSSATO SILVA



Salão Iniciação Científica

2020

Instituição de origem: Hospital de Clínicas de Porto Alegre/ Universidade Federal do Rio Grande do Sul

Orientadora/autora: Denise Rossato Silva

Aluna bolsista: Alana Ambos Freitas

RESUMO:

Título: Polimorfismo no gene codificador do fator inibidor da migração de macrófagos e sua associação com tuberculose.

Justificativa: O estabelecimento de determinantes genéticos associados ao desenvolvimento da tuberculose (TB) é um desafio, considerando as frequências divergentes entre diferentes populações. Por isso, estudos sobre a relação entre os polimorfismos genéticos do MIF e a suscetibilidade à TB em várias populações e grupos étnicos são relevantes. **Objetivos:** O objetivo deste estudo foi avaliar, em um estudo caso-controle, a associação entre o polimorfismo no gene codificador do fator inibidor da migração de macrófagos (MIF -794 CATT5-8) e a suscetibilidade à TB pulmonar em uma população do Sul do Brasil. **Metodologia:** Estudo caso-controle. Foram incluídos pacientes > 18 anos, com diagnóstico de TB pulmonar. O grupo controle consistiu de doadores de sangue e contatos domiciliares, não parentes, saudáveis e > 18 anos de idade. MIF -794 CATT5-8 foram genotipados usando sequenciação de PCR e eletroforese capilar. **Resultados:** 126 pacientes e 119 controles foram incluídos. O genótipo 5/5 foi mais frequente entre os casos (15,1%) do que nos controles (5,9%) ($p = 0,019$). Os casos apresentaram mais frequentemente o alelo 5 (29,4%) em comparação aos controles (19,3%) ($p = 0,010$). Comparando pacientes com genótipos 7/X + 8/X com aqueles com outros genótipos, não houve diferença estatisticamente significativa ($p = 0,821$). Não houve diferença estatisticamente significativa também na comparação dos pacientes com alelos 7 e 8 com aqueles com alelos 5 e 6 ($p = 0,608$). Estudos adicionais, incluindo a quantificação dos níveis de MIF, são necessários para avaliar melhor a associação entre o polimorfismo MIF -794 CATT5-8 e a suscetibilidade à TB pulmonar.

Porto Alegre, 07 de setembro de 2020.