

Hibridação em *Saccharum* (Poaceae, Andropogoneae): análises citogenéticas do alopoliploide e de seus parentais



Luana Crestani Carvalho e Eliane Kaltchuk dos Santos

lu_crestani@hotmail.com; eliane.kaltchuk@ufrgs.br

Introdução:

Saccharum é um gênero que inclui de 35-40 espécies dos trópicos e subtrópicos do mundo, estando entre elas a cana-de-açúcar. A circunscrição das espécies nativas sul-americanas de Saccharum é bastante complexa e controversa, sendo aceitas de três a nove espécies para a região. Tal complexidade, possivelmente esteja relacionada com eventos de hibridação interespecífica e poliploidia, comuns na tribo Andropogoneae. Análises morfológicas e moleculares indicam a existência de híbridos naturais entre S. angustifolium e S. villosum, sendo tais espécimes referidos como Saccharum aff. villosum. Estudos citogenéticos podem ser valiosos para auxiliar no esclarecimento dos mecanismos de formação de híbridos, sendo tais dados escassos e/ou inexistentes para esses taxa.

Objetivos:

- ■Determinar o número cromossômico das três espécies de *Saccharum* (parentais e híbrido);
- Avaliar o comportamento meiótico dos parentais e do híbrido;
- ■Determinar a viabilidade e a morfologia dos grãos de pólen nos três taxa.

Material e métodos:

Foram analisados indivíduos de seis acessos, sendo três acessos de *S. villosum*, dois de *S. angustifolium* e um de *Saccharum aff. villosum*.

Espécies	Voucher	Localidade
S. angustifolium	C. A. D. Welker 666 (ICN)	Brazil, RS, Porto Alegre
	C. A. D. Welker 671 (ICN)	Brazil, RS, Porto Alegre
Saccharum aff. villosum	C. A. D. Welker 538 (ICN)	Brazil, RS, Santo Antônio das
		Missões
S. villosum	C. A. D. Welker 539 (ICN)	Brazil, RS, Santo Antônio das
		Missões
	C. A. D. Welker 547 (ICN)	Brazil, RS, São Borja
	C. A. D. Welker 670 (ICN)	Brazil, RS, Porto Alegre

Análises:

- Inflorescências jovens foram coletadas e fixadas em etanol:ácido acético (3:1) com posterior esmagamento das anteras em carmim propiônico 2% para contagem cromossômica e análise de regularidade meiótica.
- ■Para as análises da viabilidade dos grãos de pólen, foram fixadas inflorescências próximas à antese, cujas anteras foram coradas pelo método de Alexander.
- ■A partir das medidas dos eixos polar e equatorial do pólen (fig 2) foi determinada sua morfologia seguindo a classificação de Erdtman (1971)*.

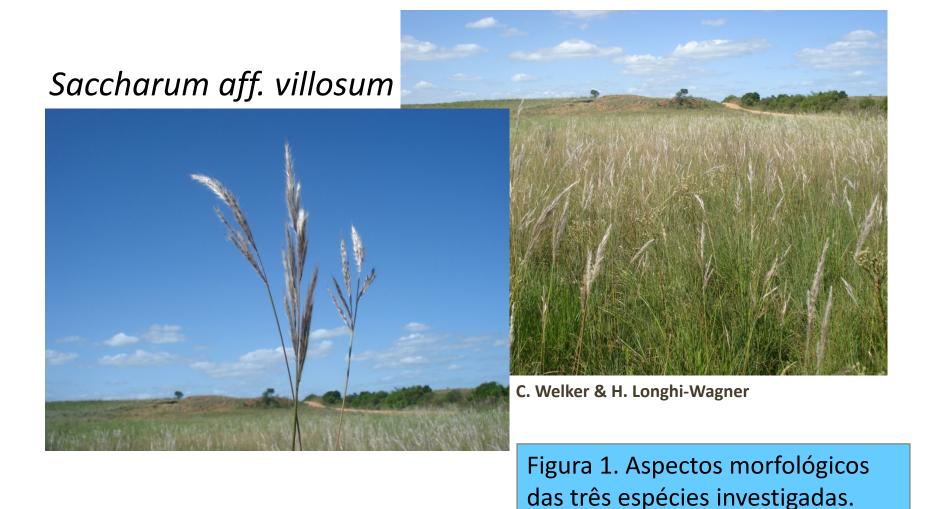
Resultados e Discussão:

- ■Todas as espécies investigadas possuem número básico x=10, sendo 2n=3x=30 para *S. angustifolium e S. villosum* e 2n=6x=60 para o híbrido (fig 3).
- ■O número cromossômico encontrado para *S. angustifolium* corrobora dados da literatura e confirma a existência de dois citótipos para a espécie (2n=30 e 60).
- Foi verificada a ocorrência de um novo citótipo para *S. villosum*, uma vez que a literatura reporta somente indivíduos com 2n=60.
- Os resultados de número cromossômico para *Saccharum aff. villosum* são inéditos e mostram que esse híbrido teve seu genoma duplicado a partir das espécies parentais, apoiando os dados moleculares.
- ■Todas as espécies apresentaram estabilidade meiótica, com pareamento, disjunção e segregação regulares. A ocorrência de bivalentes não orientados, foi a anormalidade mais frequente (fig 3).
- A viabilidade polínica foi alta nos três taxa, com pelo menos 89.8% de grãos viáveis. Houve também homogeneidade quanto ao tamanho e à morfologia dos grãos de pólen, sendo classificados como do tipo oblado esferoidal.









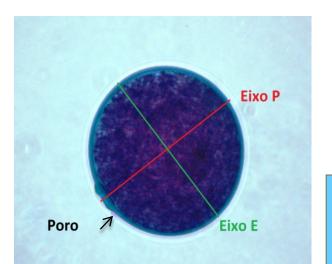


Figura 2. Grão de pólen normal maduro com a definição dos eixos Polar (P) e Equatorial (E).

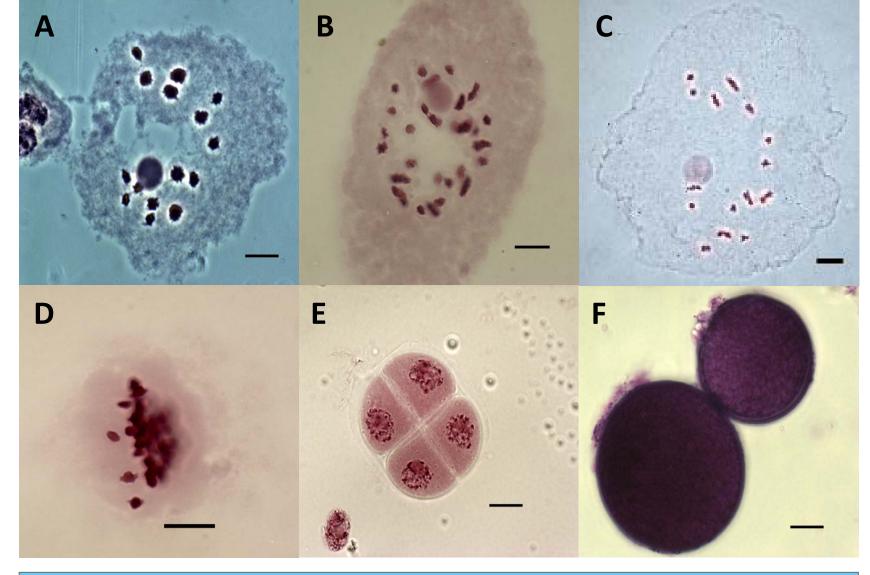


Figura 3. **A.** diacinese de *S. angustifolium* com 15 bivalentes. **B.** diacinese de *Saccharum aff. villosum* com 30 bivalentes. **C.** diacinese de *S. villosum* com 15 bivalentes. **D.** metáfase com cromossomos não orientados em *Saccharum aff. villosum.* **E.** tétrade de *S. angustifolium.* **F.** dois grãos de pólen corados de *S. angustifolium*, tamanho normal (n) e pequeno grão de pólen (p). Barras de escala = 10 μm

Conclusões:

A partir do número básico para *Saccharum* (2n = 10), é confirmada a existência de poliploidia para os três taxa. Também foi verificada a ocorrência de séries poliploides intraespecíficas.

Embora ambos os parentais sejam triploides e o híbrido seja um hexaploide, foi evidenciada regularidade meiótica e alta viabilidade polínica. Tais dados apontam para um comportamento dissômico e indicam que são espécies estabelecidas, conforme sugerido pelas análises moleculares.

Para a elucidação da origem do híbrido hexaploide e a contribuição de cada genoma parental, serão necessários estudos multidiciplinares, bem como análises citogenéticas adicionais usando outras metodologias como a hibridização in situ de genomas totais (GISH).

