



<b>Evento</b>	Salão UFRGS 2014: SIC - XXVI SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS
<b>Ano</b>	2014
<b>Local</b>	Porto Alegre
<b>Título</b>	Avaliação dos genes normalizadores para cultivo primário de células murais da granulosa e do cumulus oophorus luteinizadas
<b>Autor</b>	JÚLIA SCHNEIDER
<b>Orientador</b>	HELENA VON EYE CORLETA

Atualmente, as estratégias de avaliação e de seleção de oócitos destinados à maturação *in vitro* (MIV) dependem principalmente da morfologia do complexo *cumulus*-oócito (CCO). Porém, este método possui precisão menor do que a desejada, visto que oócitos não competentes muitas vezes são selecionados. Portanto, técnicas *in vitro* não invasivas de avaliação da qualidade do oócito para maturação e posterior fertilização *in vitro* (FIV) estão em desenvolvimento. Dentre estas, destaca-se a seleção de oócitos através da utilização do corante de vitalidade Azul Cresil Brilhante (BCB). Em várias espécies animais a utilização do BCB já está consolidada; no entanto, os efeitos causados por este corante em embriões humanos provenientes de oócitos submetidos a esta técnica ainda não foram elucidados. Visto que a utilização de oócitos humanos para pesquisa é bastante restrita e que as células murais da granulosa (GC) e do *cumulus oophorus* (CC) apresentam íntima relação com o oócito na formação do folículo ovariano, a utilização do BCB nestas células permite elucidar, de forma indireta, o possível efeito do BCB sobre oócitos humanos. A análise da expressão gênica de genes alvo que possam ter sido alterados após utilização do BCB é uma importante metodologia para identificar presença ou ausência de efeitos causados por este corante nos oócitos. Para que os resultados do perfil de expressão gênica sejam confiáveis é necessária a utilização de uma estratégia de normalização. O uso de genes normalizadores é tido como padrão-áureo para a normalização de resultados de experimentos de Reação em Cadeia da Polimerase em Tempo Real a partir de Transcrição Reversa (RT-qPCR) até o momento; porém, uma vez que não há um gene de referência universal, este deve ser determinado conforme o tipo de amostra utilizado. Desta forma, este estudo buscou avaliar e validar, dentre cinco candidatos, os genes normalizadores mais adequados para estudos de expressão gênica com cultura primária de GC e CC, utilizando-se da técnica de RT-qPCR. Utilizando *software* específico para a determinação de genes normalizadores, este trabalho apresenta ACTB e HPRT-1 como sendo os mais adequados genes normalizadores dentre os analisados, para estudos de expressão gênica em cultura primária de células murais da granulosa e do *cumulus oophorus*, respectivamente.